

Appendix A

SEQ1	(1)	1	-----M-----	AEETGGTNTTEAQP	100
SEQ5	(1)		-----MG-----	AEETGGTNTTEAQP	
SEQ3	(1)		-----M-----	AEETGGTNTTEAQP	
SEQ4	(1)		-----MG-----	AEETGGTNTTEAQP	
SEQ28	(1)		-----MG-----	AEETGGTNTTEAQP	
			MGNKQQKEFKSFYSIRKSSGLGVASVAISTLLLLMSNGEAQAA		
			↑	Leader Sequence (amino acids 1-42)	
SEQ1	(60)	101		KEVKAPKETKEVKPAAKATNTTYPILNQELREA	200
SEQ5	(61)			KEVKAPKETKEVKPAAKATNTTYPILNQELREA	
SEQ3	(60)			KEVKAPKETKEVKPAAKATNTTYPILNQELREA	
SEQ4	(61)			KEVKAPKETKEVKPAAKATNTTYPILNQELREA	
SEQ28	(101)			KEVKAPKETKEVKPAAKATNTTYPILNQELREA	
				201	300
SEQ1	(160)			VYEGDKKLPIKLVSYDTVKDYAIRFSVSNGT	
SEQ5	(161)			VYEGDKKLPIKLVSYDTVKDYAIRFSVSNGT	
SEQ3	(160)			VYEGDKKLPIKLVSYDTVKDYAIRFSVSNGT	
SEQ4	(161)			VYEGDKKLPIKLVSYDTVKDYAIRFSVSNGT	
SEQ28	(201)			VYEGDKKLPIKLVSYDTVKDYAIRFSVSNGT	
				301	400
SEQ1	(260)			DKLPEKLKAEYKKKLEDTKKALDEQVKS	
SEQ5	(261)			DKLPEKLKAEYKKKLEDTKKALDEQVKS	
SEQ3	(260)			DKLPEKLKAEYKKKLEDTKKALDEQVKS	
SEQ4	(261)			DKLPEKLKAEYKKKLEDTKKALDEQVKS	
SEQ28	(301)			DKLPEKLKAEYKKKLEDTKKALDEQVKS	
				401	500
SEQ1	(360)			QVRVTISKDAKNNTRTIIIPPYVEGKTL	
SEQ5	(361)			QVRVTISKDAKNNTRTIIIPPYVEGKTL	
SEQ3	(360)			QVRVTISKDAKNNTRTIIIPPYVEGKTL	
SEQ4	(361)			QVRVTISKDAKNNTRTIIIPPYVEGKTL	
SEQ28	(401)			QVRVTISKDAKNNTRTIIIPPYVEGKTL	
				501	600
SEQ1	(447)			-----	
SEQ5	(448)			-----	
SEQ3	(460)			KDDNKQLPSVEKENDASSESGDKTPATK	
SEQ4	(461)			KDDNKQLPSVEKENDASSESGDKTPATK	
SEQ28	(501)			KDDNKQLPSVEKENDASSESGDKTPATK	
				601	654
SEQ1	(447)			-----	
SEQ5	(448)			-----	
SEQ3	(560)			KNTQENKAKS	
SEQ4	(561)			KNTQENKAKS	
SEQ28	(601)			KNTQENKAKSLPQT GEESNKDMTLP	
				LMALLALSSIVAFVLP	
				PRKRKNLEHHHHHH	
				Sortase Cleavage Site ↑	